

List of genes downregulated in Normal-like vs Luminal-A cell-lines

Gene	baseMean	log2FoldChange	lfcSE	stat	pvalue	padj		MCF10A.RNA.Seq.Rep1_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep2_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep3_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep4_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep1_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep2_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep3_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep4_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep1_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep2_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep3_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep4_sorted
ENSG00000167601	4792.003	-2.385	1.597	-1.493	0.135	0.302	11518.209	9939.130	10935.143	9549.932	3568.122	4284.712	3839.757	4224.243	1.661	1.755	0.679	0.662	
ENSG00000177469	6530.355	-2.172	1.432	-1.517	0.129	0.291	9971.990	18098.500	9918.316	17296.347	5997.138	6196.774	5849.660	6014.315	11.628	5.264	6.789	7.946	
ENSG00000179706	2384.381	-2.063	1.446	-1.405	0.160	0.331	3754.409	6003.594	5940.608	4673.077	2906.233	1695.400	1648.565	1984.467	0.967	0.967	0.967	5.860	
ENSG00000229807	1473.107	-2.759	1.660	-1.662	0.159	0.290	2934.768	3859.021	2983.696	1554.346	0.730	0.000	0.000	0.702	0.000	0.000	1117.397	803.210	
ENSG00000117519	1648.463	-2.111	1.225	-1.724	0.085	0.209	2245.812	4431.050	2276.408	4569.263	8.029	22.843	4.605	16.149	1559.792	1549.307	1550.507	1548.148	
ENSG00000104081	703.442	-2.274	1.282	-1.774	0.076	0.191	2221.773	7016.617	2142.221	835.826	7.299	1.038	3.684	2.808	546.508	668.501	602.824	637.005	
ENSG00000089327	1267.229	-2.167	1.276	-1.698	0.090	0.218	2220.508	3141.183	2098.604	3066.755	1213.550	1211.735	1130.885	1107.235	8.306	7.018	3.394	3.973	
ENSG00000270641	757.787	-2.781	1.442	-1.929	0.054	0.144	2004.150	1471.512	2021.282	1546.337	1.460	2.077	0.000	0.702	614.614	470.231	522.719	438.355	
ENSG00000134533	507.492	-3.199	1.748	-1.831	0.067	0.173	1842.199	565.285	1982.620	612.387	0.000	0.000	0.000	0.000	272.424	285.999	266.790	264.205	
ENSG00000115935	670.305	-2.439	1.264	-1.929	0.054	0.144	1195.374	1724.531	1781.384	1175.122	627.013	484.902	541.499	502.714	3.322	1.755	3.394	2.649	
ENSG00000128739	742.325	-2.096	1.702	-1.232	0.218	0.435	1566.975	1480.686	1592.044	1429.298	0.000	0.000	1.842	0.000	561.499	822.905	639.482	813.804	
ENSG00000197943	590.041	-2.407	1.608	-1.927	0.054	0.144	1396.199	1353.814	1310.015	1004.186	1.460	3.842	4.315	451.425	483.225	503.032	463.517	0.662	
ENSG00000222861	729.443	-2.573	1.668	-1.542	0.123	0.280	1181.740	2108.189	1123.076	1123.076	469.348	0.000	0.000	522.160	0.000	0.000	0.000	0.662	
ENSG00000273173	488.670	-2.152	1.647	-1.307	0.191	0.394	1056.481	974.281	1066.650	946.954	0.000	0.000	1.842	0.000	337.207	543.924	420.212	516.491	
ENSG00000124813	439.752	-2.071	1.526	-1.357	0.175	0.367	1043.828	726.582	729.427	476.647	393.528	416.254	412.843	1.661	0.000	0.679	0.000	0.000	
ENSG00000243943	315.720	-2.768	1.661	-1.667	0.096	0.230	905.916	566.954	867.396	588.743	240.878	175.478	240.359	202.911	0.000	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000214265	380.675	-2.030	1.772	-1.146	0.252	0.484	761.496	837.797	797.013	671.498	0.000	0.000	0.000	0.000	282.390	450.931	329.924	438.355	
ENSG00000135457	298.237	-2.313	1.490	-1.553	0.120	0.276	575.687	647.686	622.543	705.782	0.000	1.038	0.000	0.702	247.507	243.889	254.571	279.453	
ENSG00000165983	244.149	-2.607	1.380	-1.890	0.059	0.155	1060.509	601.725	511.899	199.722	155.750	211.811	151.657	3.322	1.755	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000167779	306.228	-2.391	1.433	-1.669	0.095	0.229	544.056	871.532	545.221	699.871	317.521	207.667	283.642	202.209	1.661	0.000	1.358	0.000	
ENSG00000169935	275.847	-2.279	1.337	-1.705	0.088	0.214	432.714	445.098	763.711	251.827	221.242	212.584	1.661	0.000	1.358	0.000	0.000	0.662	
ENSG00000163071	179.313	-2.404	1.609	-1.500	0.134	0.299	389.696	384.391	440.966	346.959	116.293	140.423	176.816	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000164188	107.605	-2.587	1.578	-1.640	0.101	0.240	369.452	124.767	373.724	100.488	0.000	0.000	0.000	0.000	66.445	107.030	68.564	80.794	
ENSG00000237651	132.196	-2.358	1.305	-1.807	0.071	0.180	325.494	219.259	331.098	264.816	121.169	118.370	97.617	102.509	3.322	1.755	0.000	0.000	
ENSG00000128274	118.335	-2.047	1.075	-1.904	0.057	0.151	320.107	188.067	306.315	143.408	145.257	96.565	111.431	96.892	3.322	7.018	0.679	1.324	
ENSG00000269652	129.570	-2.235	1.566	-1.427	0.154	0.333	304.924	284.506	230.532	136.498	107.987	126.166	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000243649	112.123	-2.244	1.176	-1.909	0.056	0.150	265.702	183.480	302.350	195.065	125.549	80.990	113.273	3.322	0.000	1.358	0.662	0.000	
ENSG00000196196	116.182	-2.449	1.530	-1.601	0.109	0.256	242.927	297.238	235.932	244.718	103.651	76.837	78.427	81.445	0.000	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000212976	97.102	-2.049	1.312	-1.561	0.118	0.272	237.866	151.371	247.828	148.969	82.483	93.450	97.887	114.445	0.000	0.679	0.662	0.000	
ENSG00000236970	89.787	-2.453	1.306	-1.878	0.060	0.159	236.336	173.389	236.036	156.052	0.000	1.038	0.000	0.702	66.445	86.894	66.879	0.662	
ENSG00000197951	89.131	-2.312	1.542	-1.500	0.114	0.299	187.256	165.549	160.820	118.710	0.000	0.000	0.000	0.000	59.656	68.073	80.784	88.370	
ENSG00000222047	123.875	-2.548	1.540	-1.655	0.098	0.234	177.135	173.248	202.227	357.029	80.291	99.680	91.171	107.424	0.000	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000174607	79.229	-2.391	1.226	-1.950	0.051	0.139	165.217	175.224	192.701	192.701	0.000	2.077	0.000	1.404	69.767	59.656	65.849	64.230	
ENSG00000270069	52.041	-2.289	1.288	-1.777	0.076	0.190	103.750	111.027	128.861	128.861	31.387	43.610	39.599	64.595	1.661	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000175294	45.581	-2.145	1.277	-1.680	0.093	0.225	103.750	83.484	65.022	49.636	34.265	39.599	45.637	0.000	0.000	0.679	0.000	0.000	
ENSG00000104124	16.635	-2.007	1.341	-1.496	0.135	0.301	99.954	127.519	130.853	135.955	78.103	48.802	57.087	59.680	1.661	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000108342	29.103	-2.282	1.316	-1.734	0.083	0.205	86.037	35.779	88.227	37.831	21.168	31.150	20.260	28.787	0.000	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000171889	33.147	-2.500	1.293	-1.934	0.063	0.143	75.915	15.329	74.480	71.557	26.278	19.339	26.680	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000127455	16.044	-2.068	1.097	-1.885	0.059	0.156	50.510	95.410	50.510	51.548	37.957	25.958	36.678	31.595	1.358	0.000	0.662	0.662	
ENSG00000277577	16.460	-2.142	1.281	-1.672	0.094	0.227	50.510	20.183	38.661	26.009	0.000	0.000	0.000	0.000	16.611	15.791	21.045	8.608	
ENSG00000171044	20.305	-2.360	1.212	-1.948	0.051	0.139	49.345	40.366	43.618	42.560	17.518	10.383	23.023	16.851	0.000	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000197635	10.707	-2.142	1.207	-1.774	0.076	0.191	37.670	37.670	37.670	5.911	12.409	9.345	10.130	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000107736	5.123	-2.052	1.092	-1.880	0.060	0.158	22.774	0.917	15.861	2.364	0.000	2.077	0.000	0.702	1.661	1.755	4.752	8.608	
ENSG00000116396	20.256	-2.164	1.281	-1.690	0.091	0.221	21.509	63.301	25.774	57.929	13.139	21.805	10.130	29.489	0.000	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000279773	5.703	-2.023	1.093	-1.852	0.064	0.166	18.979	6.422	17.844	2.364	0.000	0.000	0.000	0.702	0.000	6.644	3.509	2.037	
ENSG00000144583	35.793	-2.011	1.458	-1.379	0.168	0.356	17.713	135.775	16.852	117.039	45.986	38.418	31.153	24.574	0.000	0.000	0.000	9.933	
ENSG00000204337	14.044	-2.092	1.129	-1.848	0.065	0.159	15.383	11.946	15.383	15.383	42.560	8.307	22.802	6.319	0.000	0.000	0.662	0.662	
ENSG00000201405	2.191	-2.667	1.566	-1.704	0.088	0.216	13.918	0.000	4.957	1.182	2.650	0.000	0.821	0.000	1.661	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000297347	4.139	-2.087	1.139	-1.832	0.067	0.172	12.652	3.670	11.896	5.911	0.000	0.000	0.000	0.000	1.661	1.755	8.146	3.973	
ENSG00000258171	2.446	-2.407	1.285	-1.873	0.061	0.160	11.387	0.917	6.939	2.364	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.755	1.358	4.635	
ENSG00000086696	3.075	-2.088	1.262	-1.654	0.098	0.234	11.387	11.387	12.887	0.000	0.000	0.921	0.000	1.661	1.755	3.394	3.973	0.000	
ENSG00000283848	2.938	-2.011	1.221	-1.648	0.099	0.237	11.387	6.422	5.948	0.000	1.460	3.115	1.404	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000248243	1.914	-2.109	1.076	-1.960	0.050	0.136	10.122	4.587	0.000	2.190	1.038	0.921	0.702	0.000	0.000	1.755	0.662	0.000	
ENSG00000136011	1.695	-2.518	1.290	-1.952	0.051	0.138	10.122	0.917	2.874	1.182	0.000	0.000	0.000	2.808	1.661	0.679	0.000	0.000	
ENSG00000281186	1.882	-2.732	1.484	-1.841	0.066	0.169	8.857	0.917	7.930	0.000	2.920	1.038	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	
ENSG00000277007	2.215	-2.362	1.335	-1.769	0.077	0.193	8.857	1.182	0.000	8.857	0.000								

List of genes downregulated in Normal-like vs Luminal-A-cet-lines

Gene	baseMean	log2FoldChange	lfcSE	stat	pvalue	padj	MCF10A.RNA.Seq.Rep1_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep2_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep3_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep4_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep1_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep2_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep3_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep4_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep1_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep2_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep3_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep4_sorted
ENSG00000285413	0.885	-2.082	1.376	-1.742	0.082	0.203	5.061	0.917	1.983	0.000	0.000	1.038	0.921	0.702	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000138722	0.829	-3.833	2.214	-1.731	0.083	0.206	5.061	0.917	3.965	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000232909	1.376	-2.120	1.235	-1.775	0.086	0.212	5.061	0.917	1.975	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000232887	0.977	-2.877	1.583	-1.693	0.091	0.220	5.061	0.917	0.000	0.000	1.547	1.460	1.460	0.000	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000283240	0.800	-3.774	2.254	-1.674	0.094	0.227	5.061	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000141505	1.000	-2.265	1.376	-1.645	0.100	0.238	5.061	0.917	2.974	0.000	1.460	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000254300	0.972	-3.120	1.897	-1.644	0.100	0.238	5.061	0.917	4.957	0.000	0.730	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000243305	1.704	-2.062	1.273	-1.620	0.105	0.248	5.061	0.917	7.930	0.000	1.182	0.000	2.763	2.106	0.000	0.000	0.679	0.000
ENSG00000169194	0.784	-2.575	1.600	-1.610	0.107	0.252	5.061	0.917	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.755	0.679	0.000
ENSG00000263120	0.658	-2.993	1.915	-1.562	0.118	0.271	5.061	0.917	0.991	0.000	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000263797	0.673	-3.527	2.306	-1.529	0.126	0.286	5.061	0.917	1.835	0.000	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000174482	0.857	-3.495	2.305	-1.516	0.129	0.292	5.061	0.917	1.835	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000241114	1.036	-2.058	1.367	-1.505	0.132	0.297	5.061	0.917	2.974	0.000	0.000	1.460	0.000	0.000	0.000	1.358	0.662	0.000
ENSG00000242611	0.950	-2.697	1.996	-1.415	0.157	0.339	5.061	0.917	1.983	0.000	2.364	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.587
ENSG00000255858	1.242	-2.803	2.018	-1.389	0.165	0.351	5.061	0.917	5.948	0.000	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	2.715	0.000
ENSG00000279205	1.107	-2.125	1.670	-1.272	0.203	0.413	5.061	0.917	0.991	2.364	0.000	0.000	0.000	0.000	3.509	1.358	0.000	0.000
ENSG00000256651	0.695	-2.356	2.003	-1.176	0.239	0.466	5.061	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.702	1.661	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000200033	0.752	-3.694	3.184	-1.160	0.246	0.475	5.061	0.917	3.965	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000207034	0.643	-2.743	2.503	-1.096	0.273	0.513	5.061	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.661	0.000	0.000	0.000
ENSG00000275343	0.560	-2.744	2.562	-1.071	0.284	0.529	5.061	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000194913	0.504	-3.110	3.204	-0.971	0.320	0.592	5.061	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000229859	0.504	-3.110	3.204	-0.971	0.332	0.592	5.061	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000229183	0.504	-3.110	3.204	-0.971	0.332	0.592	5.061	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000256713	0.504	-3.110	3.204	-0.971	0.332	0.592	5.061	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000187242	0.504	-3.110	3.204	-0.971	0.332	0.592	5.061	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000269873	0.565	-2.117	2.664	-0.795	0.427	0.703	5.061	0.917	0.000	0.000	1.038	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.679	0.000
ENSG00000260454	0.867	-3.435	1.766	-1.945	0.052	0.140	3.796	1.835	1.983	0.000	0.730	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000267675	0.876	-3.919	2.066	-1.897	0.058	0.153	3.796	1.835	2.752	0.000	3.965	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000166795	0.916	-2.552	1.349	-1.892	0.058	0.154	3.796	1.835	0.000	0.000	0.730	3.965	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000234997	1.208	-2.163	1.143	-1.891	0.059	0.155	3.796	1.835	0.000	0.000	2.752	0.000	0.000	1.404	1.661	0.000	0.679	0.662
ENSG00000203327	1.415	-2.004	1.063	-1.886	0.059	0.156	3.796	1.835	2.974	0.000	2.364	1.460	0.000	0.921	0.000	0.000	2.715	0.000
ENSG00000177306	0.776	-2.723	1.455	-1.872	0.061	0.160	3.796	1.835	1.983	0.000	0.000	1.038	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000255328	0.772	-2.723	1.456	-1.870	0.061	0.161	3.796	1.835	1.983	0.000	0.730	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000177459	1.604	-2.008	1.079	-1.860	0.063	0.164	3.796	1.835	4.957	2.364	1.460	2.077	2.763	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000280367	1.651	-2.887	1.553	-1.859	0.063	0.164	3.796	1.835	0.000	0.000	1.038	0.000	0.000	0.661	1.755	0.000	0.662	0.000
ENSG00000212172	1.235	-3.007	1.639	-1.834	0.067	0.172	3.796	1.835	7.930	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.755	0.679	0.662	0.000
ENSG00000278668	0.773	-3.086	1.693	-1.823	0.068	0.175	3.796	1.835	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.661	0.000	0.000	0.000
ENSG00000207922	0.940	-2.399	1.324	-1.813	0.070	0.178	3.796	1.835	0.000	2.364	0.000	0.000	0.000	0.702	1.661	0.000	0.000	0.000
ENSG00000214594	0.844	-3.857	2.135	-1.807	0.071	0.180	3.796	1.835	0.000	3.965	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000257732	0.693	-3.086	1.725	-1.789	0.074	0.186	3.796	1.835	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000251050	0.953	-3.064	1.723	-1.778	0.075	0.190	3.796	1.835	3.965	0.000	0.000	0.000	1.842	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000230838	0.885	-3.922	2.231	-1.758	0.079	0.197	3.796	1.835	5.911	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000130307	0.918	-2.364	1.357	-1.742	0.082	0.202	3.796	1.835	2.752	0.000	1.182	0.000	0.000	0.921	0.702	1.661	0.000	0.000
ENSG00000217702	1.303	-2.183	1.257	-1.737	0.082	0.204	3.796	1.835	5.948	0.000	0.000	1.038	0.921	1.661	0.000	1.358	0.000	0.000
ENSG00000257509	0.806	-3.796	2.224	-1.707	0.088	0.215	3.796	1.835	4.957	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000278668	1.280	-2.205	1.313	-1.679	0.093	0.225	3.796	1.835	0.000	4.729	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.358	2.649	0.000
ENSG00000366442	0.767	-2.515	1.513	-1.663	0.096	0.231	3.796	1.835	0.000	1.661	0.000	0.000	0.921	0.000	1.661	0.000	0.000	0.000
ENSG00000277095	0.705	-2.547	1.541	-1.653	0.098	0.235	3.796	1.835	0.000	1.182	0.730	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000275767	0.705	-2.547	1.541	-1.653	0.098	0.235	3.796	1.835	0.000	1.182	0.730	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000254703	0.721	-3.633	2.247	-1.617	0.106	0.249	3.796	1.835	3.670	0.000	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000189350	1.233	-2.052	1.277	-1.606	0.108	0.254	3.796	1.835	3.670	0.000	2.974	0.000	0.921	2.106	0.000	0.000	1.324	0.000
ENSG00000154678	1.492	-2.079	1.341	-1.551	0.121	0.276	3.796	1.835	5.948	2.364	0.000	0.000	1.404	3.509	0.000	1.324	0.000	0.000
ENSG00000117507	0.663	-3.507	2.285	-1.535	0.125	0.283	3.796	1.835	2.974	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000142615	0.748	-2.725	1.788	-1.524	0.127	0.288	3.796	1.835	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.358	0.000	0.000
ENSG00000262881	0.641	-3.462	2.284	-1.516	0.130	0.292	3.796	1.835	2.974	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000214694	1.435	-2.487	1.706	-1.457	0.145	0.319	3.796	1.835	0.917	2.300	0.917	0.000	1.661	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000250629	0.766	-2.751	1.920	-1.433	0.152	0.331	3.796	1.835	0.000	0.000	0.730	0.000	0.702	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000158815	0.574	-2.713	1.912	-1.419	0.156	0.337	3.796	1.835	0.917	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000189900	0.614	-2.656	1.874	-1.417	0.156	0.338	3.796	1.835	0.917	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	1.661	0.000	0.000	0.000
ENSG00000284289	0.595	-2.288																

List of genes downregulated in Normal-like vs Luminal-A-cell-lines

Gene	baseMean	log2FoldChange	lfcSE	stat	pvalue	padj	MCF10A.RNA.Seq.Rep1_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep2_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep3_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep4_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep1_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep2_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep3_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep4_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep1_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep2_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep3_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep4_sorted
ENSG00000272282	0.463	-2.327	2.525	-0.921	0.357	0.622	2.530	0.000	1.983	0.000	0.000	1.038	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000265799	0.463	-2.327	2.525	-0.921	0.357	0.622	2.530	0.000	1.983	0.000	0.000	1.038	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000267990	0.415	-2.327	2.505	-0.911	0.362	0.628	2.530	0.000	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.702	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000260333	0.433	-2.327	2.557	-0.835	0.404	0.629	2.530	0.000	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.679	0.000
ENSG00000232398	0.376	-2.691	3.223	-0.835	0.404	0.677	2.530	0.000	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000263426	0.376	-2.691	3.223	-0.835	0.404	0.677	2.530	0.000	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000244167	0.376	-2.691	3.223	-0.835	0.404	0.677	2.530	0.000	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000203286	0.376	-2.691	3.223	-0.835	0.404	0.677	2.530	0.000	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000258084	0.376	-2.691	3.223	-0.835	0.404	0.677	2.530	0.000	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000284388	0.376	-2.691	3.223	-0.835	0.404	0.677	2.530	0.000	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000283627	0.376	-2.691	3.223	-0.835	0.404	0.677	2.530	0.000	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000260741	0.376	-2.691	3.223	-0.835	0.404	0.677	2.530	0.000	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000288992	0.376	-2.691	3.223	-0.835	0.404	0.677	2.530	0.000	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000231636	0.561	-2.072	2.550	-0.813	0.416	0.692	2.530	0.000	0.000	2.364	0.000	0.000	1.842	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000284393	0.448	-2.025	2.573	-0.787	0.431	0.708	2.530	0.000	0.000	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	1.661	0.000	0.000	0.000
ENSG00000231256	0.386	-2.027	2.643	-0.767	0.443	0.722	2.530	0.000	0.000	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000241129	0.365	-2.027	2.671	-0.759	0.448	0.727	2.530	0.000	0.000	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000259946	0.309	-2.397	3.241	-0.740	0.460	0.739	2.530	0.000	0.000	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000228707	0.309	-2.397	3.241	-0.740	0.460	0.739	2.530	0.000	0.000	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000272148	0.309	-2.397	3.241	-0.740	0.460	0.739	2.530	0.000	0.000	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000231600	0.293	-2.327	3.246	-0.717	0.473	0.752	2.530	0.000	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000271094	0.293	-2.327	3.246	-0.717	0.473	0.752	2.530	0.000	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000241358	0.293	-2.327	3.246	-0.717	0.473	0.752	2.530	0.000	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000200469	0.293	-2.327	3.246	-0.717	0.473	0.752	2.530	0.000	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000236318	0.293	-2.327	3.246	-0.717	0.473	0.752	2.530	0.000	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000242948	0.293	-2.327	3.246	-0.717	0.473	0.752	2.530	0.000	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000233942	0.293	-2.327	3.246	-0.717	0.473	0.752	2.530	0.000	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000276405	0.293	-2.327	3.246	-0.717	0.473	0.752	2.530	0.000	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000207560	0.293	-2.327	3.246	-0.717	0.473	0.752	2.530	0.000	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000231483	0.293	-2.327	3.246	-0.717	0.473	0.752	2.530	0.000	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000273108	0.293	-2.327	3.246	-0.717	0.473	0.752	2.530	0.000	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000257595	0.293	-2.327	3.246	-0.717	0.473	0.752	2.530	0.000	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000280166	0.293	-2.327	3.246	-0.717	0.473	0.752	2.530	0.000	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000234177	0.287	-2.298	3.248	-0.708	0.479	0.758	2.530	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000272485	0.287	-2.298	3.248	-0.708	0.479	0.758	2.530	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000274507	0.287	-2.298	3.248	-0.708	0.479	0.758	2.530	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000269500	0.287	-2.298	3.248	-0.708	0.479	0.758	2.530	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000268936	0.287	-2.298	3.248	-0.708	0.479	0.758	2.530	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000292137	0.732	-2.489	1.284	-1.930	0.052	1.143	1.265	1.835	0.991	1.835	0.000	0.000	2.364	0.730	1.661	0.000	0.662	0.662
ENSG00000232560	0.727	-2.464	1.276	-1.932	0.053	1.144	1.265	1.835	0.991	1.835	0.000	0.000	2.364	0.730	1.755	0.000	0.000	0.000
ENSG00000257662	0.723	-2.464	1.276	-1.931	0.054	1.144	1.265	1.835	0.991	1.835	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.755	0.000	0.662
ENSG00000205325	1.115	-2.597	1.349	-1.925	0.054	1.145	1.265	1.835	0.917	4.957	0.000	0.000	0.000	0.702	0.000	0.000	1.987	0.000
ENSG00000202079	0.544	-3.226	1.699	-1.899	0.058	1.153	1.265	1.835	0.917	2.364	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000279469	0.571	-2.807	1.480	-1.897	0.058	1.153	1.265	1.835	0.991	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000224475	0.979	-2.262	1.194	-1.894	0.058	1.154	1.265	1.835	0.991	4.729	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.679	1.324	0.000
ENSG00000237734	0.538	-3.212	1.696	-1.894	0.058	1.154	1.265	1.835	0.991	2.364	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000277734	0.538	-3.212	1.696	-1.894	0.058	1.154	1.265	1.835	0.991	2.364	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000273664	0.538	-3.212	1.696	-1.894	0.058	1.154	1.265	1.835	0.991	2.364	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000224376	1.131	-2.560	1.352	-1.893	0.058	1.154	1.265	1.835	0.917	3.547	0.000	0.000	0.000	0.702	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000145423	0.980	-4.079	2.167	-1.882	0.060	1.157	1.265	1.835	0.917	5.911	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000277795	0.522	-3.178	1.689	-1.882	0.060	1.158	1.265	1.835	0.983	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000237484	0.816	-3.363	1.796	-1.872	0.061	1.160	1.265	1.835	0.991	2.364	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000254656	1.013	-2.424	1.296	-1.870	0.061	1.161	1.265	1.835	0.991	3.547	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.358	0.000	1.324
ENSG00000283952	1.143	-2.644	1.416	-1.867	0.062	1.162	1.265	1.835	0.991	2.364	0.000	0.730	0.000	0.000	0.000	0.000	1.358	0.662
ENSG00000271974	0.820	-3.346	1.820	-1.839	0.066	1.170	1.265	1.835	0.991	5.911	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.679	0.000
ENSG00000203462	0.905	-2.947	1.119	-1.829	0.067	1.171	1.265	1.835	0.917	3.547	0.000	0.000	0.000	0.702	0.000	0.679	0.000	0.000
ENSG00000234363	0.704	-2.644	1.519	-1.740	0.082	1.203	1.265	1.835	0.965	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.679	0.000
ENSG00000267260	0.852	-2.490	1.442	-1.727	0.084	1.208	1.265	1.835	0.917	5.948	0.000	0.730	0.000	0.702	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000267353	0.852	-2.490	1.442	-1.727	0.084	1.208	1.265	1.835	0.917	5.948	0.000	0.730	0.000	0.702	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000250678	0.518	-2.617	1.516	-1.726	0.084	1.208	1.265	1.835	0.917	2.364	0.000	0.						

List of genes downregulated in Normal-like vs Luminal-A cell-lines

Gene	baseMean	log2FoldChange	lfcSE	stat	pvalue	padj	MCF10A.RNA.Seq.Rep1_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep2_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep3_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep4_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep1_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep2_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep3_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep4_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep1_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep2_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep3_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep4_sorted
ENSG00000204869	0.440	-2.277	1.577	-1.443	0.149	0.325	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000181169	0.440	-2.277	1.577	-1.443	0.149	0.325	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000205049	0.576	-2.184	2.363	-1.443	0.249	0.325	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000278647	0.567	-2.141	1.558	-1.435	0.151	0.330	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.679
ENSG00000258609	0.420	-2.277	1.587	-1.435	0.151	0.330	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.679
ENSG00000144671	0.648	-2.191	1.566	-1.399	0.162	0.347	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	1.661	0.000	0.000	0.000
ENSG00000251239	0.589	-2.236	1.601	-1.397	0.162	0.347	1.265	0.917	0.991	1.182	0.730	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000272542	0.635	-2.191	1.571	-1.395	0.163	0.349	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	1.755	0.000	0.662
ENSG00000277129	0.623	-2.185	1.572	-1.389	0.165	0.351	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	1.661	0.000	0.000	0.662
ENSG00000231648	0.363	-2.640	1.901	-1.389	0.165	0.352	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000259649	0.363	-2.640	1.901	-1.389	0.165	0.352	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000185190	0.524	-3.250	2.243	-1.397	0.165	0.352	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000236599	0.567	-2.184	1.592	-1.372	0.170	0.360	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000269989	0.582	-3.317	2.418	-1.372	0.170	0.360	1.265	0.917	0.991	1.182	4.729	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000180230	0.806	-2.151	1.568	-1.372	0.170	0.360	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	1.404	1.661	0.000	0.000	0.000
ENSG00000135577	0.576	-2.540	1.853	-1.371	0.170	0.360	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	1.755	0.000	0.000
ENSG00000274184	0.546	-2.184	1.600	-1.365	0.172	0.363	1.265	0.917	0.991	1.182	0.730	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000225857	0.562	-2.154	1.583	-1.360	0.174	0.366	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	1.038	0.702	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000266821	0.491	-2.540	1.901	-1.336	0.182	0.379	1.265	0.917	0.991	1.182	0.730	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000260125	0.500	-3.118	2.345	-1.330	0.184	0.382	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000158764	0.354	-2.666	2.003	-1.328	0.184	0.383	1.265	0.917	0.991	1.182	5.948	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000254825	0.534	-3.205	2.421	-1.324	0.186	0.385	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG000002795174	0.904	-2.226	1.724	-1.291	0.197	0.402	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.730	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.587
ENSG00000259477	0.679	-2.105	1.642	-1.282	0.200	0.407	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.679	1.324	0.000
ENSG00000250295	0.665	-2.052	1.633	-1.256	0.209	0.421	1.265	0.917	0.991	1.182	0.730	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	1.324
ENSG00000168843	0.769	-2.102	1.693	-1.291	0.214	0.429	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	1.661	0.000	0.679	0.662	0.000
ENSG00000270689	0.525	-2.328	1.888	-1.233	0.218	0.434	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	1.755	0.000	0.000	0.000
ENSG00000115297	0.849	-3.874	3.179	-1.219	0.223	0.442	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000158764	0.440	-2.277	1.577	-1.443	0.149	0.325	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000259649	0.363	-2.640	1.901	-1.389	0.165	0.352	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000262117	0.424	-2.977	2.412	-1.193	0.233	0.457	1.265	0.917	0.991	1.182	1.835	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000273540	0.424	-2.977	2.412	-1.193	0.233	0.457	1.265	0.917	0.991	1.182	1.835	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000260497	0.883	-3.007	2.529	-1.189	0.234	0.459	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	1.404	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000234773	0.605	-2.320	1.963	-1.182	0.237	0.463	1.265	0.917	0.991	1.182	1.460	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000252543	0.430	-2.896	2.469	-1.173	0.241	0.469	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000271225	0.430	-2.896	2.469	-1.173	0.241	0.469	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000280078	0.415	-2.259	1.938	-1.166	0.244	0.472	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.702	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000289980	0.413	-2.259	1.940	-1.165	0.244	0.473	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.679	0.000	0.000
ENSG00000278110	0.412	-2.259	1.941	-1.164	0.244	0.473	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.662	0.000
ENSG00000274717	0.412	-2.259	1.941	-1.164	0.244	0.473	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.662	0.000
ENSG00000230630	0.417	-2.858	2.472	-1.156	0.248	0.478	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000282890	0.417	-2.858	2.472	-1.156	0.248	0.478	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000235076	0.418	-2.209	1.920	-1.151	0.250	0.481	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000254254	0.402	-2.209	1.933	-1.143	0.253	0.485	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.730	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000211772	0.684	-3.562	3.188	-1.117	0.264	0.501	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000271555	0.575	-2.804	2.538	-1.105	0.269	0.508	1.265	0.917	0.991	1.182	4.957	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.679	0.000
ENSG00000230620	0.385	-2.719	2.533	-1.073	0.283	0.528	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000258808	0.385	-2.719	2.533	-1.073	0.283	0.528	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000278998	0.379	-2.697	2.535	-1.064	0.287	0.533	1.265	0.917	0.991	1.182	2.364	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000268674	0.379	-2.697	2.535	-1.064	0.287	0.533	1.265	0.917	0.991	1.182	2.364	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000264384	0.369	-2.665	2.538	-1.050	0.294	0.542	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000236153	0.369	-2.665	2.538	-1.050	0.294	0.542	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000188037	0.369	-2.665	2.538	-1.050	0.294	0.542	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000249086	0.369	-2.665	2.538	-1.050	0.294	0.542	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000239648	0.369	-2.665	2.538	-1.050	0.294	0.542	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000279797	0.369	-2.665	2.538	-1.050	0.294	0.542	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000178403	0.357	-2.620	2.542	-1.031	0.303	0.554	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000253157	0.357	-2.620	2.542	-1.031	0.303	0.554	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000224992	0.357	-2.620	2.542	-1.031	0.303	0.554	1.265	0.917	0.991	1.182	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000070031	0.357	-2.620	2.542</															

List of genes downregulated in Normal-like vs Luminal-A cell-lines

Gene	baseMean	log2FoldChange	lfcSE	stat	pvalue	padj	MCF10A.RNA.Seq.Rep1_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep2_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep3_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep4_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep1_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep2_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep3_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep4_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep1_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep2_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep3_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep4_sorted
ENSG00000213126	0.280	-2.263	2.685	-0.843	0.399	0.671	0.917	0.000	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000270497	0.280	-2.263	2.685	-0.843	0.399	0.671	0.917	0.000	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000255943	0.280	-2.263	2.685	-0.843	0.399	0.671	0.917	0.000	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000304015	0.280	-2.263	2.685	-0.843	0.399	0.671	0.917	0.000	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000229162	0.264	-2.191	2.697	-0.812	0.417	0.692	0.991	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000225056	0.264	-2.191	2.697	-0.812	0.417	0.692	0.991	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000223466	0.264	-2.191	2.697	-0.812	0.417	0.692	0.991	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000279964	0.264	-2.191	2.697	-0.812	0.417	0.692	0.991	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000235908	0.264	-2.191	2.697	-0.812	0.417	0.692	0.991	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000272609	0.264	-2.191	2.697	-0.812	0.417	0.692	0.991	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000249928	0.264	-2.191	2.697	-0.812	0.417	0.692	0.991	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000229536	0.264	-2.191	2.697	-0.812	0.417	0.692	0.991	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000204810	0.264	-2.191	2.697	-0.812	0.417	0.692	0.991	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000257572	0.264	-2.191	2.697	-0.812	0.417	0.692	0.991	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000257759	0.264	-2.191	2.697	-0.812	0.417	0.692	0.991	0.000	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000279147	0.353	-2.608	3.228	-1.008	0.419	0.695	2.974	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000285081	0.353	-2.608	3.228	-1.008	0.419	0.695	2.974	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000106128	0.353	-2.608	3.228	-1.008	0.419	0.695	2.974	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000273584	0.353	-2.608	3.228	-1.008	0.419	0.695	2.974	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000276930	0.353	-2.608	3.228	-1.008	0.419	0.695	2.974	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000269902	0.353	-2.608	3.228	-1.008	0.419	0.695	2.974	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000233509	0.302	-2.367	3.243	-0.730	0.465	0.744	1.265	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000239602	0.302	-2.367	3.243	-0.730	0.465	0.744	1.265	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000201618	0.302	-2.367	3.243	-0.730	0.465	0.744	1.265	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000229291	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000234584	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000245572	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000249636	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000245443	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000272810	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000221845	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000199051	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000212273	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000228322	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000237385	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000269256	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000223576	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000278950	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000259763	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000184471	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000265331	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000283385	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000234906	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000207550	0.271	-2.221	3.253	-0.683	0.495	0.774	1.983	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000066932	0.258	-2.159	3.258	-0.663	0.508	0.786	1.835	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000234963	0.258	-2.159	3.258	-0.663	0.508	0.786	1.835	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000242369	0.258	-2.159	3.258	-0.663	0.508	0.786	1.835	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000231713	0.258	-2.159	3.258	-0.663	0.508	0.786	1.835	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000120664	1.270	-2.511	1.901	-1.931	0.053	0.144	0.000	5.504	3.965	2.364	0.000	0.000	0.000	0.702	0.000	0.000	2.037	0.662
ENSG00000282849	2.208	-5.252	2.799	-1.876	0.061	0.159	0.000	14.678	0.000	11.822	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000253746	1.002	-4.108	2.198	-1.869	0.062	0.161	0.000	2.752	0.991	8.276	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000267279	1.612	-2.906	1.555	-1.869	0.062	0.161	0.000	8.257	0.991	3.547	0.000	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	2.649
ENSG00000284883	0.755	-2.652	1.428	-1.856	0.063	0.165	0.000	2.925	1.835	2.364	0.000	0.000	0.000	1.038	0.921	0.000	0.000	0.000
ENSG00000236120	0.760	-3.048	1.680	-1.814	0.070	0.178	0.000	1.785	1.983	3.547	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000303009	0.705	-2.637	1.516	-1.739	0.082	0.203	0.000	3.070	0.991	3.670	0.730	0.000	0.000	0.702	0.000	0.000	1.755	0.662
ENSG00000227201	0.818	-2.366	1.370	-1.727	0.084	0.208	0.000	1.835	0.991	4.729	0.000	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.679	0.662
ENSG00000285215	0.697	-3.090	1.774	-1.725	0.085	0.208	0.000	2.974	0.917	3.547	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000229122	1.052	-2.052	1.203	-1.705	0.088	0.215	0.000	2.752	4.957	1.182	0.730	0.000	0.921	1.404	0.000	0.000	0.679	0.000
ENSG00000163017	3.480	-2.392	1.415	-1.690	0.091	0.221	0.000	0.000	16.551	0.730	2.077	2.763	0.000	4.213	1.661	0.000	0.000	0.000
ENSG00000249279	0.988	-3.163	1.881	-1.682	0.093	0.224	0.000	5.504	0.000	4.729	0.000	0.000						

List of genes downregulated in Normal-like vs Luminal-A cell-lines

Gene	baseMean	log2FoldChange	lfcSE	stat	pvalue	padj	MCF10A.RNA.Seq.Rep1_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep2_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep3_sorted	MCF10A.RNA.Seq.Rep4_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep1_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep2_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep3_sorted	MCF7.RNA.Seq.Rep4_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep1_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep2_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep3_sorted	ZK751.RNA.Seq.Rep4_sorted
ENSG00000254510	0.995	-4.100	3.084	-1.330	0.184	0.382	0.000	3.670	0.000	8.276	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000200742	0.497	-2.488	1.879	-1.324	0.186	0.385	0.000	2.752	0.991	1.182	0.000	1.038	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000101577	0.498	-3.101	2.245	-1.322	0.186	0.385	0.000	2.752	0.991	1.182	0.000	1.038	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000267138	0.870	-2.158	1.638	-1.318	0.188	0.388	0.000	2.752	0.991	1.182	0.000	1.038	0.000	0.000	0.000	0.000	0.679	1.134
ENSG00000224884	0.467	-2.487	1.899	-1.310	0.190	0.392	0.000	2.752	0.991	1.182	0.000	1.038	0.000	0.000	0.000	0.000	0.679	0.000
ENSG00000272243	0.505	-3.132	2.423	-1.293	0.196	0.402	0.000	0.917	3.965	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000221461	0.670	-2.461	1.911	-1.288	0.198	0.404	0.000	2.752	0.991	3.547	0.000	1.038	0.000	0.702	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000228877	0.682	-3.066	2.408	-1.273	0.203	0.412	0.000	0.000	4.729	0.000	0.000	0.000	0.000	0.702	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000267019	0.487	-3.084	2.425	-1.272	0.203	0.413	0.000	3.670	0.991	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000230080	0.851	-2.073	1.638	-1.265	0.206	0.417	0.000	0.917	2.974	3.547	0.000	0.000	0.000	2.106	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000135960	0.614	-2.911	2.405	-1.210	0.226	0.447	0.000	3.670	2.974	0.000	0.730	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000136872	0.621	-2.939	2.406	-1.206	0.228	0.450	0.000	3.670	4.957	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000137546	0.417	-2.857	2.414	-1.184	0.237	0.462	0.000	3.670	1.835	1.983	0.000	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000266289	0.479	-2.210	1.877	-1.178	0.239	0.466	0.000	0.917	1.983	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	1.661	0.000	0.000	0.000
ENSG00000280655	0.433	-2.259	1.925	-1.174	0.241	0.468	0.000	0.917	0.991	2.364	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000270356	0.433	-2.259	1.925	-1.174	0.241	0.468	0.000	0.917	0.991	2.364	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000284387	0.480	-2.190	1.869	-1.172	0.241	0.469	0.000	1.835	0.991	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.755	0.000	0.000
ENSG00000047648	0.472	-2.190	1.874	-1.169	0.243	0.471	0.000	1.835	0.991	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	1.661	0.000	0.000	0.000
ENSG00000207617	0.759	-3.714	3.183	-1.067	0.243	0.472	0.000	0.917	7.930	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000177994	0.423	-2.876	2.471	-1.164	0.245	0.473	0.000	0.917	2.974	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000122110	0.421	-2.189	1.911	-1.146	0.245	0.474	0.000	0.917	1.835	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000227868	0.628	-2.730	2.481	-1.100	0.271	0.511	0.000	0.917	4.957	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000301183	0.570	-2.787	2.537	-1.099	0.272	0.512	0.000	0.000	4.957	1.182	0.000	0.000	0.000	0.702	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000257042	0.645	-3.474	3.190	-1.089	0.276	0.517	0.000	1.835	0.000	5.911	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000238390	0.538	-2.625	2.481	-1.058	0.290	0.537	0.000	0.000	1.983	3.547	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000178033	0.601	-3.376	3.194	-1.057	0.290	0.538	0.000	3.670	0.000	3.547	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000284459	0.594	-3.361	3.194	-1.052	0.293	0.541	0.000	0.000	5.948	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000290730	0.791	-2.070	1.971	-1.050	0.294	0.542	0.000	1.835	0.991	3.547	0.000	3.115	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000257915	0.525	-2.589	2.485	-1.044	0.297	0.546	0.000	1.835	0.991	3.547	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000212489	0.535	-2.670	2.563	-1.042	0.297	0.547	0.000	0.991	0.991	4.729	0.000	0.000	0.000	0.702	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000171507	0.509	-2.589	2.495	-1.038	0.299	0.549	0.000	1.835	0.000	3.547	0.730	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000272121	0.356	-2.619	2.543	-1.030	0.303	0.554	0.000	0.917	0.991	2.364	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000257925	0.569	-3.290	3.197	-1.029	0.303	0.555	0.000	0.917	0.991	5.911	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000278884	0.569	-3.290	3.197	-1.029	0.303	0.555	0.000	0.917	0.991	5.911	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000276012	0.554	-3.264	3.198	-1.021	0.307	0.560	0.000	3.670	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000134365	0.543	-3.227	3.199	-1.009	0.313	0.567	0.000	0.000	2.974	3.547	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000241679	0.340	-2.562	2.549	-1.005	0.315	0.569	0.000	0.917	1.983	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000279288	0.340	-2.562	2.549	-1.005	0.315	0.569	0.000	0.917	1.983	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000272489	0.856	-2.013	2.014	-1.000	0.318	0.573	0.000	0.000	3.670	0.000	0.730	0.000	0.000	0.000	3.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000185031	0.334	-2.539	2.551	-0.995	0.330	0.576	0.000	1.835	0.991	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000226012	0.334	-2.539	2.551	-0.995	0.330	0.576	0.000	1.835	0.991	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000170683	0.525	-3.179	3.201	-0.993	0.321	0.577	0.000	2.752	0.000	3.547	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000267685	0.503	-3.121	3.203	-0.974	0.330	0.590	0.000	3.670	0.000	2.364	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000251388	0.496	-3.102	3.204	-0.968	0.333	0.593	0.000	0.000	5.948	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000254871	0.484	-2.466	2.553	-0.962	0.334	0.595	0.000	0.917	3.965	0.334	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000252034	0.501	-2.281	2.475	-0.921	0.357	0.622	0.000	0.000	1.983	2.364	0.000	0.000	0.000	0.000	1.661	0.000	0.000	0.000
ENSG00000236419	0.448	-2.950	2.316	-0.919	0.358	0.623	0.000	0.917	0.917	0.917	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.662
ENSG00000205358	0.518	-2.314	2.521	-0.918	0.359	0.624	0.000	0.917	0.000	3.547	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.755	0.000
ENSG00000224167	0.455	-2.336	2.586	-0.903	0.366	0.634	0.000	0.000	0.991	3.547	0.000	0.000	0.000	0.921	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000227941	0.426	-2.882	3.214	-0.897	0.370	0.637	0.000	2.752	0.000	2.364	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000237819	0.426	-2.882	3.214	-0.897	0.370	0.637	0.000	2.752	0.000	2.364	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000127529	0.413	-2.841	3.216	-0.883	0.377	0.646	0.000	0.000	4.957	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000232492	0.485	-2.225	2.528	-0.880	0.379	0.648	0.000	0.000	2.974	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	1.661	0.000	0.000	0.000
ENSG00000158022	0.411	-2.236	2.556	-0.875	0.382	0.652	0.000	1.835	0.000	2.364	0.000	0.730	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000151418	0.404	-2.811	3.217	-0.874	0.382	0.652	0.000	3.670	0.000	1.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000105664	0.404	-2.811	3.217	-0.874	0.382	0.652	0.000	0.000	1.182	3.670	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000268669	0.404	-2.811	3.217	-0.874	0.382	0.652	0.000	0.000	1.182	3.670	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000271334	0.395	-2.779	3.219	-0.863	0.388	0.659	0.000	2.752	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000198914	0.388	-2.758	3.220	-0.857	0.392	0.663	0.000	3.670	0.991	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
ENSG00000221858	0.582	-2.742																

